

НАПРАВЛЕНИЕ НА ГЕНЕТИЧЕСКОЕ ИССЛЕДОВАНИЕ

ДАННЫЕ ПАЦИЕНТА

ФИО ПАЦИЕНТА _____

ДАТА РОЖДЕНИЯ _____

EMAIL _____ ПОЛ Ж М

ТЕЛЕФОН ПАЦИЕНТА _____

ДАТА ВЗЯТИЯ ОБРАЗЦА КОД УСЛУГИ

НАИМЕНОВАНИЕ УСЛУГИ

ВИД БИОМАТЕРИАЛА _____

ДИАГНОЗ _____

ДАННЫЕ ВРАЧА

ФИО ВРАЧА _____

КЛИНИКА _____

ТЕЛЕФОН ВРАЧА _____

EMAIL _____

КОМУ ОТПРАВЛЯТЬ РЕЗУЛЬТАТ ВРАЧУ ПАЦИЕНТУ В КЛИНИКУ

КТО ПЛАТЕЛЬЩИК ВРАЧ ПАЦИЕНТ КЛИНИКА

ПОДПИСЬ ВРАЧА



НАПРАВЛЕНИЕ НА МЕТАГЕНОМНОЕ ИССЛЕДОВАНИЕ

штрих-код

ДАННЫЕ ПАЦИЕНТА

ФИО ПАЦИЕНТА _____ ПОЛ Ж М

ДАТА РОЖДЕНИЯ _____

EMAIL _____ ТЕЛЕФОН ПАЦИЕНТА _____

ДАННЫЕ ВРАЧА

ФИО ВРАЧА _____

КЛИНИКА _____

EMAIL _____ ТЕЛЕФОН ВРАЧА _____

КОМУ ОТПРАВЛЯТЬ РЕЗУЛЬТАТ ВРАЧУ ПАЦИЕНТУ В КЛИНИКУ

КТО ПЛАТЕЛЬЩИК ВРАЧ ПАЦИЕНТ КЛИНИКА

ВИД БИОМАТЕРИАЛА

СТАНДАРТНЫЕ ОБРАЗЦЫ

- КАЛОВЫЕ МАССЫ
- МАЗОК ИЗ РОТОВОЙ ПОЛОСТИ
- СЛЮНА
- МОКРОТА
- ВЕНОЗНАЯ КРОВЬ

ОБРАЗЦЫ УРОГЕНИТАЛЬНОГО ТРАКТА

- МАЗОК ИЗ ВЛАГАЛИЩА
- МАЗОК ИЗ ЦЕРВИКАЛЬНОГО КАНАЛА
- МАЗОК ИЗ УРЕТРЫ
- ЭНДОМЕТРИЙ
- СЕКРЕТ ПРОСТАТЫ
- ЭЯКУЛЯТ

НЕСТАНДАРТНЫЕ ОБРАЗЦЫ

- ТКАНЬ (БИОПТАТ)
- КОЖНЫЕ ПОКРОВЫ
- ОТДЕЛЯЕМОЕ ИЗ РАН
- ОТДЕЛЯЕМОЕ ИЗ ГЛАЗА:
 - OD
 - OS

ДРУГОЙ
ВИД БИОМАТЕРИАЛА _____
обязательно для заполнения

ДАТА СБОРА БИОМАТЕРИАЛА _____
обязательно для заполнения

ВИДЫ УСЛУГ

<input type="checkbox"/>	МИКРОБИОМ 16S ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование микробиома (бактерии+ археи) методом секвенирования 16spPHK любого биоматериала — только сырые данные. xlsx	Код: MB-400
<input type="checkbox"/>	МИКРОБИОМ 16S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ исследование микробиома (бактерии+ археи) методом секвенирования 16spPHK любого биоматериала с интерпретацией	Код: MB-401
<input type="checkbox"/>	МИКРОБИОМ 16S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И РЕКОМЕНДАЦИЕЙ ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ Исследование микробиома (бактерии+ археи) методом секвенирования 16S pPHK любого биоматериала с интерпретацией и рекомендациями по пробиотической коррекции	Код: MB-402
<input type="checkbox"/>	МИКОМ 18S ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование микома (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 18spPHK любого биоматериала — только сырые данные. xlsx	Код: MB-500
<input type="checkbox"/>	МИКОМ 18S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование микома (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 18S pPHK любого биоматериала — с интерпретацией	Код: MB-501
<input type="checkbox"/>	МИКРОБИОМ 16S + МИКОМ 18S ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование микробиома (бактерии+ археи) и микома (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 16spPHK,18spPHK любого биоматериала — только сырые данные. xlsx	Код: MB-600
<input type="checkbox"/>	МИКРОБИОМ 16S + МИКОМ 18S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование микробиома (бактерии+ археи) и микома (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 16S pPHK,18S pPHK любого биоматериала с интерпретацией	Код: MB-601
<input type="checkbox"/>	МИКРОБИОМ 16S + МИКОМ 18S С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И РЕКОМЕНДАЦИЕЙ ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ Исследование микробиома (бактерии+ археи) и микома (грибы+одноклеточные простейшие) методом секвенирования 16S pPHK,18S pPHK любого биоматериала с интерпретацией и рекомендациями по пробиотической коррекции	Код: MB-602
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала — только сырые данные. Xlsx, fastq	Код: MB-700
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования с базовой интерпретацией по патогенам с оценкой антибиотикорезистентности. Биоматериал (мазок из влагалища и ц.к., эндометрий, эякулят, секрет простаты, ротовая полость, содержимое ран, кожа, кровь, мокрота, каловые массы, моча, ликвор, биоптат (не онкологический), другой биоматериал по запросу	Код: MB-701
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования с интерпретацией по патогенам, функциональным бактериям, оценкой антибиотикорезистентности, генов токсичности и рекомендациями по пробиотической коррекции для лечащего врача. Биоматериал (мазок из влагалища и ц.к., мазок из ротовой полости, каловые массы, другой биоматериал по запросу	Код: MB-702
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ WGS ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИЕЙ ЭКСПЕРТ Исследование полного метагенома (бактерии, археи, грибы, вирусы, паразиты) методом полногеномного секвенирования с экспертной интерпретацией по патогенам, функциональным бактериям, оценкой антибиотикорезистентности, генов токсичности, зоонозных инфекционных агентов, онковирусов и рекомендациями для лечащего врача. Биоматериал (мазок из влагалища и ц.к., мазок из ротовой полости, каловые массы, биоптаты опухоли, ликвор и другой биоматериал. РЕКОМЕНДОВАНО ДЛЯ ОНКОПАЦИЕНТОВ И ПАЦИЕНТОВ С ИММУНОДЕФИЦИТНЫМИ СОСТОЯНИЯМИ	Код: MB-703

ВИДЫ УСЛУГ

<input type="checkbox"/>	КОНСУЛЬТАЦИЯ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ МЕТАГЕНОМНЫХ ИССЛЕДОВАНИЙ WGS СПЕЦИАЛИСТА 1 КАТЕГОРИИ	Код: CG-1916
<input type="checkbox"/>	КОНСУЛЬТАЦИЯ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ МЕТАГЕНОМНЫХ ИССЛЕДОВАНИЙ WGS СПЕЦИАЛИСТА 2 КАТЕГОРИИ	Код: CG-1917
<input type="checkbox"/>	РЕКОМЕНДАЦИИ ДЛЯ ЛЕЧАЩЕГО ВРАЧА ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ МЕТАГЕНОМНОГО ИССЛЕДОВАНИЯ МЕТОДОМ 16S РРНК + 18S РРНК	Код: CG-1918
<input type="checkbox"/>	РЕКОМЕНДАЦИИ ДЛЯ ЛЕЧАЩЕГО ВРАЧА ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ МЕТАГЕНОМНОГО ИССЛЕДОВАНИЯ МЕТОДОМ WGS	Код: CG-1919
<input type="checkbox"/>	ИНТЕРПРЕТАЦИЯ ЭКСПЕРТНОГО УРОВНЯ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ МЕТАГЕНОМНОГО СЕКВЕНИРОВАНИЯ МЕТОДОМ WGS С РЕКОМЕНДАЦИИ ДЛЯ ЛЕЧАЩЕГО ВРАЧА В Т.Ч. С РЕКОМЕНДАЦИЯМИ ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ	Код: CG-1920
<input type="checkbox"/>	ИНТЕРПРЕТАЦИЯ ПО РЕЗУЛЬТАТАМ МЕТАГЕНОМНОГО СЕКВЕНИРОВАНИЯ МЕТОДОМ WGS С РЕКОМЕНДАЦИИ ДЛЯ ЛЕЧАЩЕГО ВРАЧА В Т.Ч. С РЕКОМЕНДАЦИЯМИ ПО ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИИ	Код: CG-1921
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ LOW WGS ТОЛЬКО СЫРЫЕ ДАННЫЕ Исследование полного метагенома (бактерии, грибы) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала — только сырые данные. Xlsx	Код: MB-800
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ LOW WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, грибы) методом полногеномного секвенирования любого биоматериала с интерпретацией по патогенам, оценкой антибиотикорезистентности	Код: MB-801
<input type="checkbox"/>	МЕТАГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ LOW WGS С ИНТЕРПРЕТАЦИЕЙ И ПРОБИОТИЧЕСКОЙ КОРРЕКЦИЕЙ Исследование полного метагенома (бактерии, грибы) методом полногеномного секвенирования с интерпретацией по патогенам, функциональным бактериям, оценкой антибиотикорезистентности, рекомендациями по пробиотической коррекции для лечащего врача. Биоматериал (мазок из влагалища и ц.к., мазок из ротовой полости, каловые массы, другой биоматериал по запросу)	Код: MB-802